

(a) CRYM

225
(0.985*)

267
(0.979*)

<i>H. armiger</i>	ALLSGA E I FAEEVVKGVKPAHCE KTTVFKSLGMAVA AKLV Y DSWSS
<i>R. siamensis</i>	ALLSGA E I FAEEVVKGVKPAHCE KTTVFKSLGMAVA AKLV Y DSWLL
<i>R. episcopus</i>	ALLSGA E I FAEEVVKGVKPAHCE KTTVFKSLGMAVA AKLV Y DSWLS
<i>R. marshalli</i>	GFVSGGQVAATSSLGWARGCPCRAVVLVQNARVAEGRRGTWEPWKT
<i>R. osgoodi</i>	ALLSGA E I FAEEVVKGVKPAHCE KTTVFKSLGMAVA AKLV Y DSWLS
<i>R. pusillus</i>	ALLSGA E I FAEEVVKGVKPAHCE KTTVFKSLGMAVA AKLV Y DSWLS
<i>R. rex</i>	ALLSGA E I FAEEVVKGVKPAHCE KTTVFKSLGMAVA AKLV Y DSWLS
<i>R. sinicus</i>	ALLSGA E I FAEEVVKGVKPAHCE KTTVFKSLGMAVA AKLV Y DSWLS

(b) FOXM1

2 (0.993*) 4 (0.991*)

<i>H. armiger</i>	KPLDPGGLK
<i>R. siamensis</i>	KPLDPGGLK
<i>R. episcopus</i>	RMLCPAGLK
<i>R. marshalli</i>	QPLDPGGLK
<i>R. osgoodi</i>	KPLDPGGLK
<i>R. pusillus</i>	KPLDPGGLK
<i>R. rex</i>	QPLDPGGLK
<i>R. sinicus</i>	KPLDPGGLK

(c) PYCARD

96 (0.999*) 115 (0.977*)

<i>H. armiger</i>	AEPTNPFSF APAWNACKLLQAL
<i>R. siamensis</i>	APPRAPFTHQPGWTLS LPVLPTL
<i>R. episcopus</i>	AEPTNPFSF APAWNACKLLQAL
<i>R. marshalli</i>	AEPTNPFSF APAWNACKLLQAL
<i>R. osgoodi</i>	AEPTNPFSF APAWNACKLLQAL
<i>R. pusillus</i>	AEPTNPFSF APAWNACKLLQAL
<i>R. rex</i>	AEPTNPFSF APAWNACKLLQAL
<i>R. sinicus</i>	AEPTNPFSF APAWNACKLLQAL

(d) SLC52A2

378 (0.997*) 390 (0.985*)

<i>H. armiger</i>	VVLSWGVAI QVGS LG
<i>R. siamensis</i>	VVST LG ILRQRGRQRG
<i>R. episcopus</i>	VVLSWGVAI QVGS LG
<i>R. marshalli</i>	VVLSWGVAI QVGS LG
<i>R. osgoodi</i>	VVLSWGVAI QMGSL LG
<i>R. pusillus</i>	VVLSWGVAI QVGS LG
<i>R. rex</i>	VVLSWGVAI QVGS LG
<i>R. sinicus</i>	VVLSWGVAI QVGS LG

(e) WRB

152 (1.000*) 163 (1.000*)

<i>H. armiger</i>	AGGVGI TCWI LVCN
<i>R. siamensis</i>	AGGVGI TCWI LVCN
<i>R. episcopus</i>	AGKSLENMVEECG
<i>R. marshalli</i>	AGGVGI TCWI LVCN
<i>R. osgoodi</i>	AGGVGI TCWI LVCN
<i>R. pusillus</i>	AGGVGI TCWI LVCN
<i>R. rex</i>	AGGVGI TCWI LVCN
<i>R. sinicus</i>	AGGVGI TCWI LVCN

(f) MAP6

388 (0.957*) 390 (0.958*)

<i>H. armiger</i>	PKKKLAEA
<i>R. siamensis</i>	PKKKLAEA
<i>R. episcopus</i>	PKKDLSEP
<i>R. marshalli</i>	PKKKLAEA
<i>R. osgoodi</i>	PKKKLAEA
<i>R. pusillus</i>	PKKKLAEA
<i>R. rex</i>	PKKKLAEA
<i>R. sinicus</i>	PKKKLAEA

(g) SPRY2

266 (0.985*) 267 (0.977*) 272 (0.982*) 275 (0.982*)

<i>H. armiger</i>	LFLCLWCYLPAGCLK
<i>R. siamensis</i>	LFLCLWCYLPAGCLK
<i>R. episcopus</i>	LFLCLWCYLPAGCLK
<i>R. marshalli</i>	LFLCLWCYLPAGCLK
<i>R. osgoodi</i>	LFFALF MVLPSQGLP
<i>R. pusillus</i>	LFFALF MVLPSQGLP
<i>R. rex</i>	LFLCLWCYLPAGCLK
<i>R. sinicus</i>	LFLCLWCYLPAGCLK